

INF 4130

15. oktober 2008

- Dagens temaer: Kapittel 10 og 23 i hovedboka
 - Fra kap 10 : Dybde-først og branch-and-bound søk
 - Fra kap 23: A*-søk
- Oblig 2 har ligget ute en stund. Frist 24 oktober.
 - Det er lov å diskutere den med gruppelærer!
- Forelesning neste uke:
 - Spilltrær, alfa-beta-avskjæring (kap 23.5), samt om sjakkprogrammer
 - Ved: **Rune Djurhuus, STORMESTER i sjakk**, med egen sjakkspalte i Aftenposten, og med Mastergrad fra Ifi.
 - Også folk som ikke er student på dette kurset innviteres.
- Gruppene neste uke
 - Vanlige oppgaver blir lagt ut, men det settes også av litt tid til spørsmål og diskusjon omkring Oblig 2.

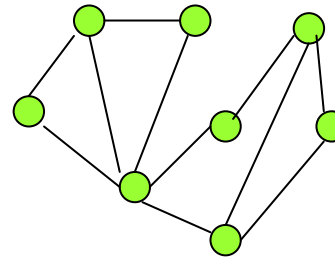
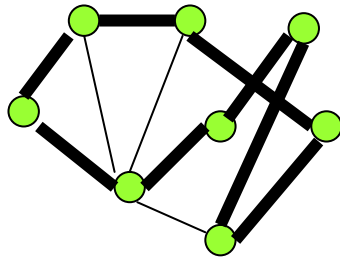
Søk i tilstandsrom - oversikt

- Kap 10: Herfra skal vi ”minne om” (fra INF 2220: Alg. og datastr.)
 - Backtracing algorithms
 - dybde først søk i tilstandsrommet
 - Trenger lite lagerplass
 - Branch and bound (ble kanskje ikke kalt det i INF 2220?)
 - Bredde først søk, med varianter
 - Trenger mye plass: Må holde i lageret alle noder (tilstander) som er ”sett”, men som ikke er studert
 - Varianter: Kan f.eks. gi hver node en ”lovende-het”, og gå videre langs den noden som er mest lovende (heuristikk). Datastruktur: Prioritetskø, likner på Dijkstras ”korteste vei”
 - Et alternativ til å gjøre rent bredde-først-søk (**ikke i boka, ikke pensum**):
 - Gjør dybde-først-søk til nivå 1, så nytt søk til nivå 2, osv.
 - Om det er stor forgreningsfaktor tar ikke dette så mye mer tid enn vanlig bredde-først
 - Og det krever *mye mindre plass*
- Kap 23: A*-søk
 - Likner mye på branch-and-bound med prioritetskø
 - Men om vi setter visse krav til heuristikken, så får vi en algoritme alias Dijkstras ”Korteste vei”-algoritme, men som virker raskere.

Modeller for valgsekvenser under søk

- Det er flere måter å ”modellere” valgsekvenser for et gitt problem
- Gitt modelleringsmåte: De mulige sekvensene danner et tre
- Eksempel, finne mulig Hamiltonian Cycle (innom alle nodene én og bare én gang):

Hamiltonian
Cycle

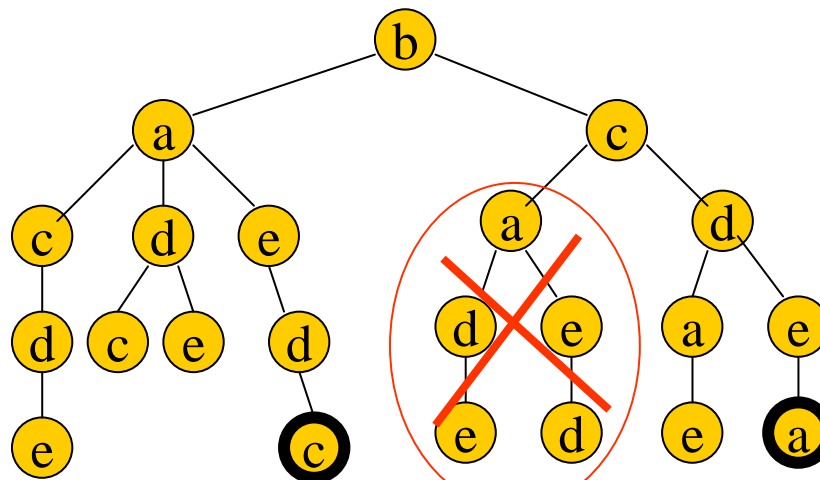
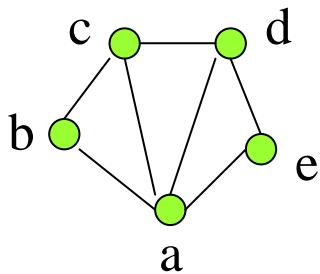


Har opplagt ingen
Hamiltonian Cycle

- To måter å her modellere søk på:
 - Start vei i tilfeldig node og forleng veien på alle mulige måter
 - Mulige valg i steget i algoritmen: Alle kanter (ut fra siste vei-node så langt) som ikke går tilbake til allerede brukt node.
 - Start med en kant, og legg stadig til en kant til:
 - Mulige valg i steget i algoritmen: Alle ikkevalgte kanter som gjør at alle de sammenhengende komponentene av valgte kanter fremdeles forblir enkle veier
- Fører til forskjellige ”state space tree” = ”tilstandsrom-treet”
- ”Problem state”: Tilstander der en del valg er gjort
- ”Goal states”: Det gjort et antall valg, og vi står med en løsning.

Modeller for valgsekvenser

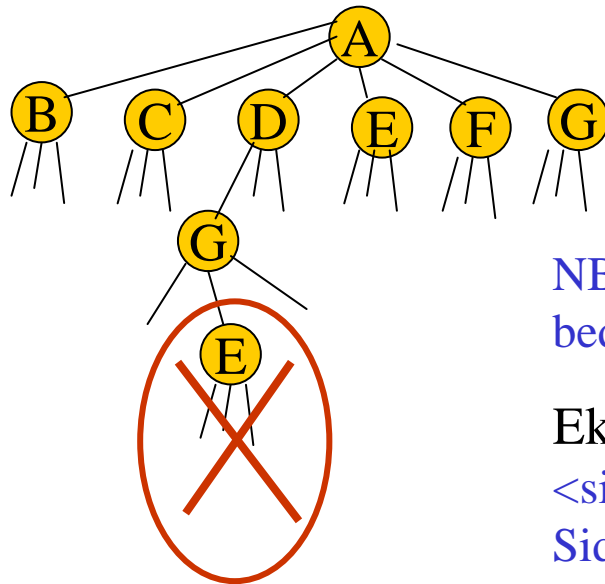
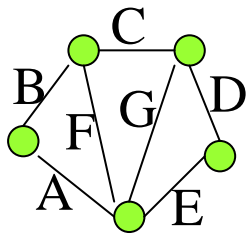
- Tre-struktur ut fra første modell:
 - Velg en node og forleng veien fra denne på alle mulige måter. men ikke bruk kanter (ut fra siste vei-node så langt) som ikke går tilbake til allerede brukt node.



Avskjæring: Klarer vi å se denne?

Modeller for valgsekvenser

- Tilstands-tre ut fra andre modellen:
 - Start med en kant, og legg stadig til en kant til:
 - Mulige valg i steget i algoritmen: Alle ikkevalgte kanter
 - Avskjæring: Ikke se på kanter som gjør at alle de sammenhengende komponentene av valgte kanter fremdeles forblir enkle veier



NB: Forskjellige modeller kan gi bedre/dårligere muligheter for avskjæring.

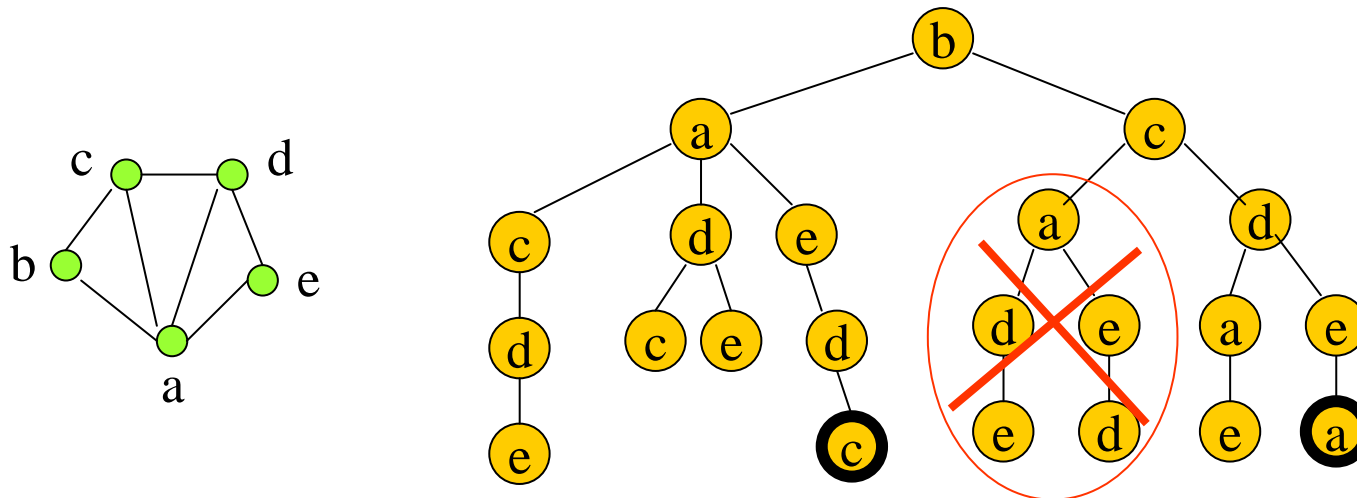
Eksempler fra boka:

<side 293, figur 10.3 og 10.4 (Subset sum)

Side 719 (8-spill, liten utgave av 15-spill)

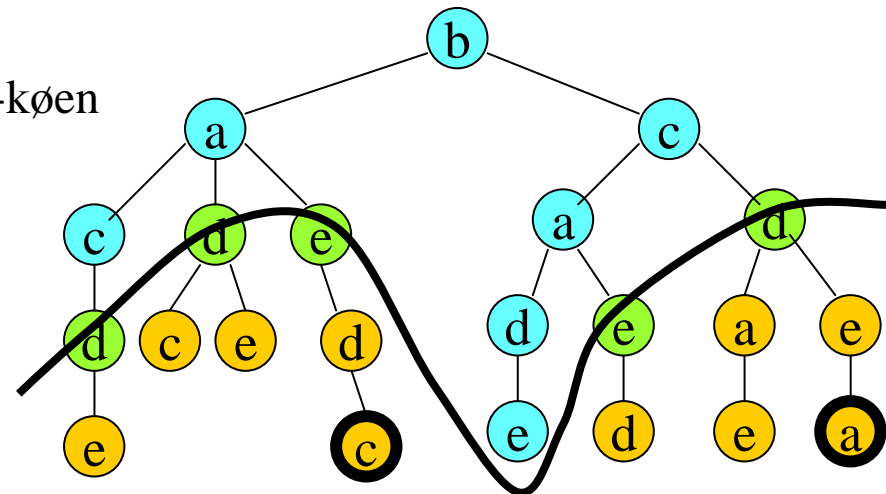
Dybde-først søk/tilbakesporing

- Gjennom søker tilstandsroms-treet dybde-først, til vi kommer til en "mål-tilstand"
 - Bruker gjerne en rekursiv prosedyre, som har selve problemstillingen som "globale data".
 - Tar liten plass: Holder bare nodene mellom roten og den noden man er i
 - Er ofte i god posisjon til å gjøre avskjæring: Ikke gå ned i subtrær som umulig kan inneholde en "mål-tilstand". Her: Kan være "lur"
 - F.eks.: Når man har valgt b, c og a, kan man se at alle "tilbake-kanter til b er sperret, og at dette ikke kan føre til en Ham. Cycle.



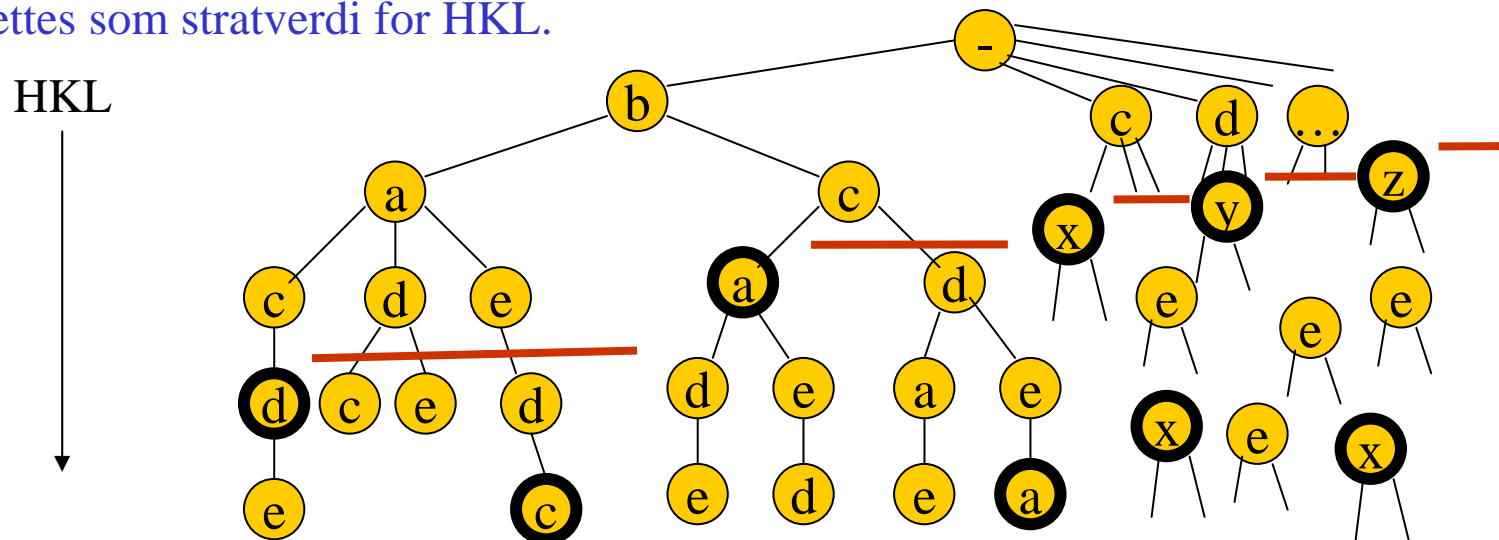
"Branch and bound"

- Bruker *en eller annen* form for bredde-først-søk
- Blir en mengde av noder som boka kaller "Live Nodes"
 - Dette er de som er "sett, men ikke fulgt opp". **NB: Kan bli stor!**
- "Live nodes" vil være et snitt gjennom tilstandsrom-treet (grønne)
 - Alle over (nærmere roten) er man ferdig med (blå)
 - Alle under er ikke sett enda (gule)
- Steget: Velg en node N fra mengden LiveNodes
 - Er N en mål-node? Om ja: Ferdig! Om nei:
 - Ta N ut av "liveNodes"-køen
 - Sett alle N's barn inn i "Live Nodes"-køen
- Tre strategier:
 - LN-mengden er en FIFO-kø
 - Ekte bredde først
 - LN-mengden er en LIFO-kø
 - Likner på dybde-først
 - LN-mengden er prioriteskø,
 - med en passelig heuristikk som prioritet (hvor "lovende" er noden)
 - Likner mye på A*-søk (kommer)
- **Må selvfølgelig også bruke all mulig avskjæring**



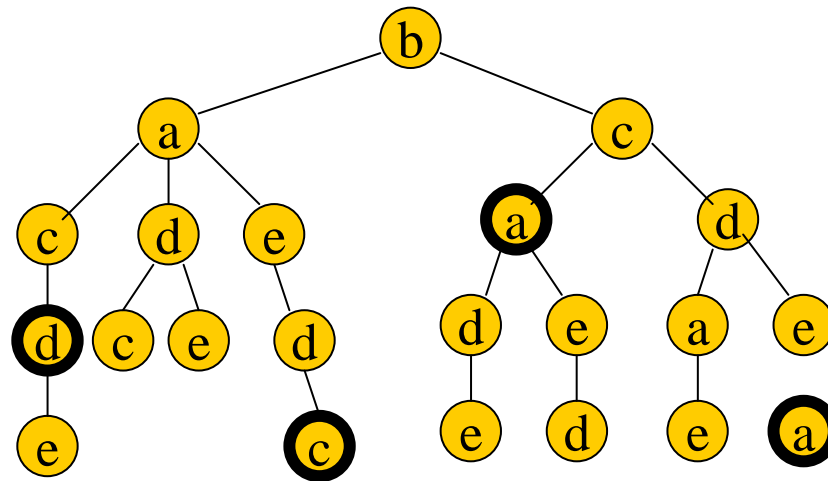
Søk etter "beste løsning", idé 1

- For enkelhets skyld: "Beste løsning" er den mål-noden som er nærmest roten, regnet i antall kanter (men lar seg lett generalisere)
 - Da må vi *ikke* tenke på Ham. Cycle som eksempel (alle mål-noder like dype)
- Idé 1:
 - Bruk dybde først, og bruk all vanlig avskjæring slik som før
 - Hold en global variabel "hittil korteste lengde": HKL
 - Gå aldri dypere en det beste vi har sett til nå, se tegning
 - Om vi også kan beregne et minstemål for hvor langt det er til nærmeste mål-node får vi enda bedre avskjæring
 - Kan ofte *på forhånd* beregne en øvre grense for hvor langt unna beste målnode kan være. Settes som stratverdi for HKL.



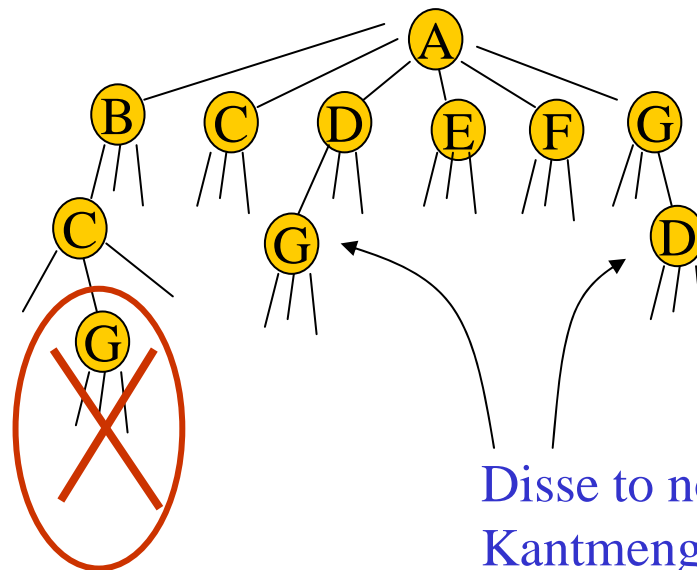
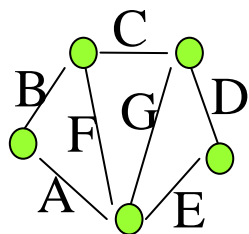
Iterativ bredde først (ikke i boka, ikke pensum)

- Et alternativ om man vil gjøre rent bredde-først-søk
 - Bruker like lite plass som dybde først søk
 - Men må gjøre litt arbeid om igjen
- Idé: Gjør dybde-først-søk til nivå 1, så et helt nytt søk til nivå 2, osv.
 - Om det er stor forgreningsfaktor tar ikke dette så mye mer tid enn vanlig bredde-først
 - Og det krever altså *mye mindre plass!*
- Kan også brukes med prioriteter/heuristikker etc.



Vi kan se ting som trær eller grafer

- Tilstands-treet kan ofte ha noder som representerer samme tilstand, selv om man er kommet dit ved forskjellige valgsekvenser, se eksempel under.
 - Man kan oftest velge om man vil slå disse sammen eller ikke
 - Da må tiden til å gjøre ting om igjen veies opp mot det å undersøke om man har sett denne tilstanden tidligere.
- Ved *dfs* kan det være vanskelig å slå sammen. Trenger mye mer plass.
- Ved *bfs* vil det som regel være fordelaktig å slå sammen. Sparer plass (og tid?)
- Noen algoritmer krever at man slår sammen, for eksempel Dijkstra og A*

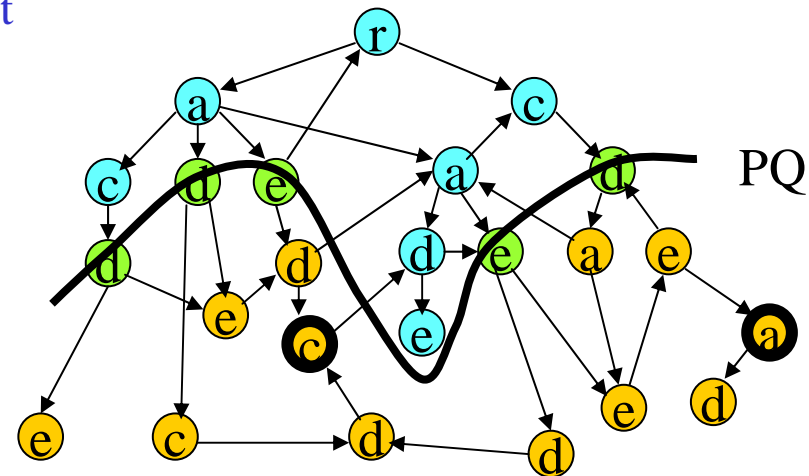


Disse to nodene er essensielt like.
Kantmengden er A, D og G.

A*-søk

Eller: Dijkstras *korteste vei algoritme*, med heuristikk!

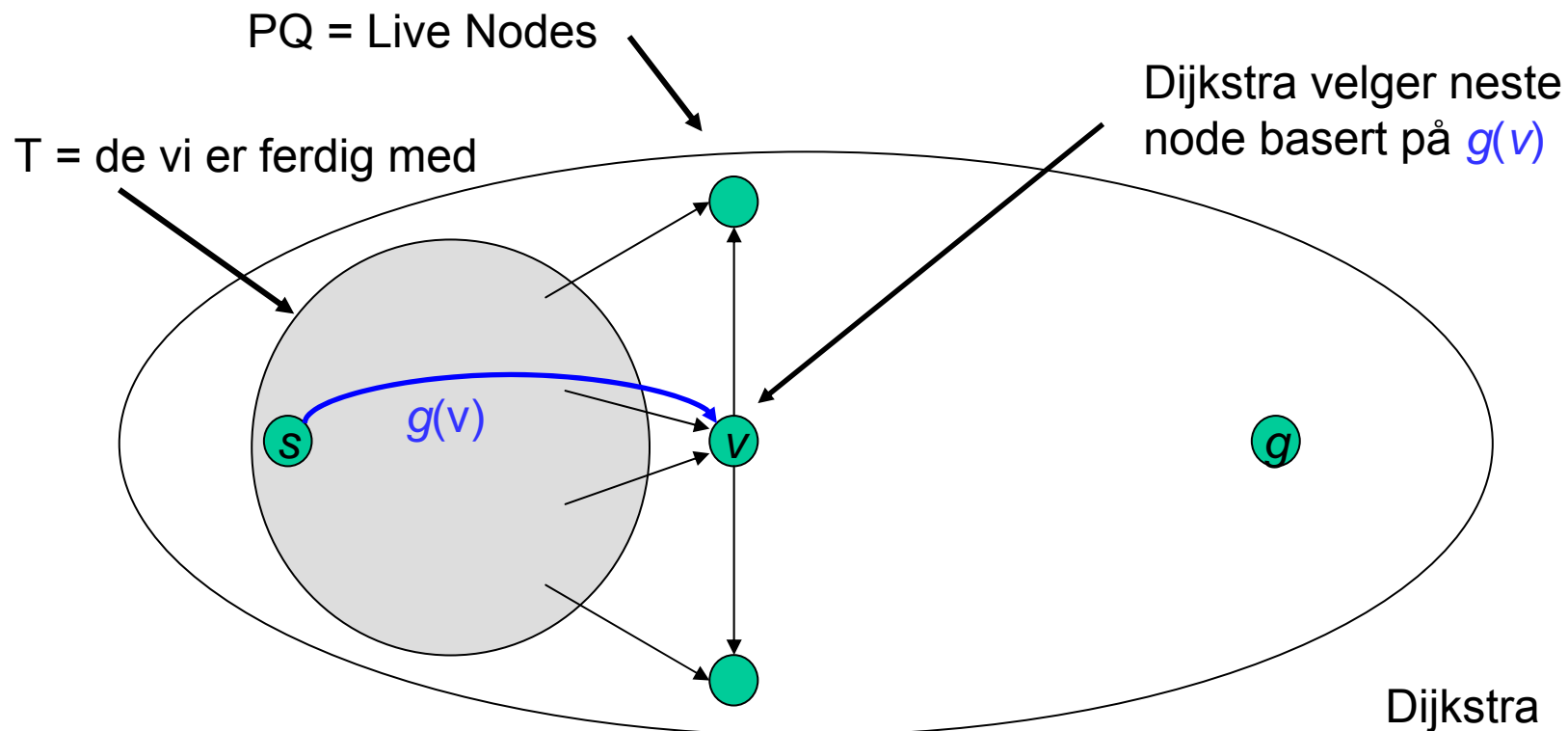
- A*-søk egner seg for problemer der vi har
 - en (eksplisitt eller implisitt) graf av "tilstander",
 - Med en start-tilstand, og et antall mål-tilstander
 - Mulige tilstands-overganger (rettede kanter) med en gitt "kost".
 - Og: Skal finne en vei fra start til en mål-tilstand, med **minimal** kost.
 - Altså logisk sett: korteste-vei-problemet



- Strategien er et bredde-først-søk, med heuristikk
 - Vi bruker en heuristikk-funksjon $h(x)$ for stadig å velge mest lovende vei
 - Altså bredde-først-søk med en priorities-kø for valg av neste fra LiveNodes
 - Men: Må ha spesielle krav på $h(x)$ for at algoritmen skal bli like enkel som Dijkstra
- Finnes varianter til fullt A*-søk (A-søk, A*-søk uten alle $h(x)$ -krav oppfylt)

Dijkstra – algoritmen

- Strategien er et bredde-først-søk med prioriteskø: PQ = "Live Nodes"
- Dijkstras korteste vei algoritme. (Dijkstra er et spesialtilfelle av A*-søk.)
- Dijkstra-algoritmen bør hver aldri se om igjen på noder den har lagt bak seg

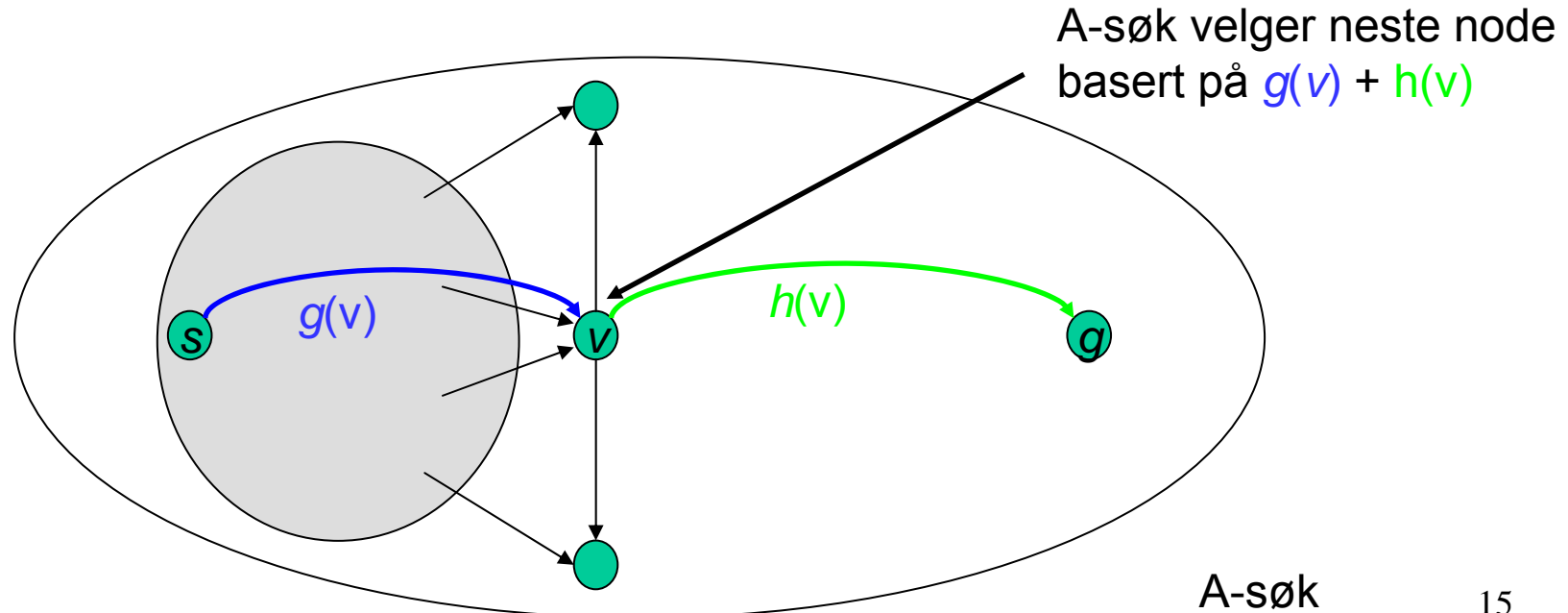


Dijkstras algoritme, korteste vei til alle noder

```
proc Dijkstra(Graph G, Node source)  
for each vertex v in Graph do           // Initialisering  
    v.dist :=  $\infty$                        // Ukjent avstand initielt mellom v og source  
    v.previous := NIL                       // Peker for å huske stien  
od  
source.dist := 0                            // Avstand fra source til seg selv,  
PQ := { source }                          // Priorites-køen  
T := { }                                    // T settes tom (de ferdigbehandlede nodene)  
while PQ is not empty do  
    u := extract_min(PQ)                  // Nærmeste node fra prioritetskø, source første  
    T := T union { u }  
    for each neighbor v of u do        // gang. Key i køen er dist-verdien  
        if not v in T then             // Sjekker om den allerede er behandlet ferdig  
            v.alt = u.dist + length(u, v)  
            if v.alt < v.dist then       // Sjekker om vi nå finner kortere vei  
                v.dist := v.alt          // I så fall, sett inn denne  
                v.previous := u  
            fi  
    od  
od
```

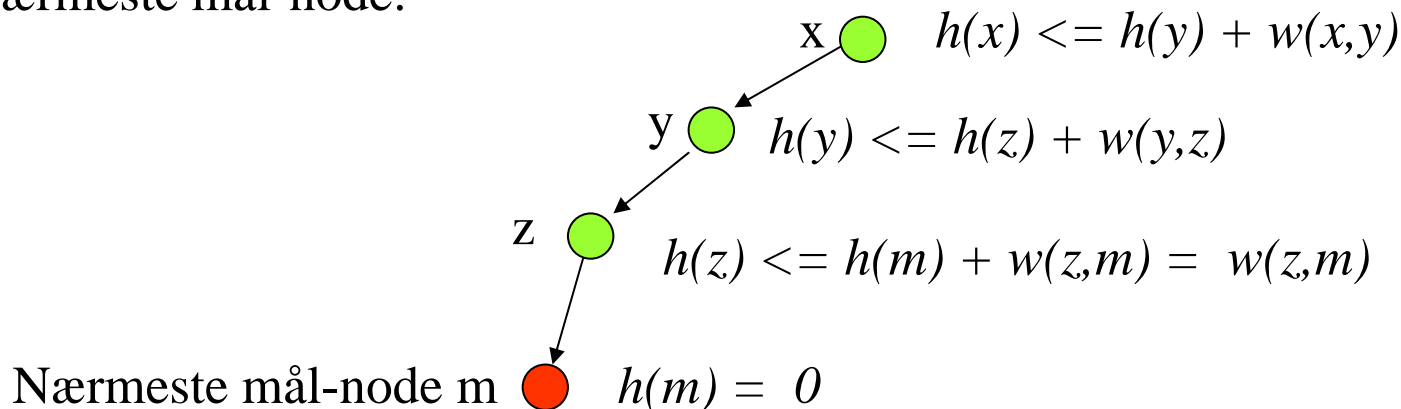
A*-søk – heuristikk mot *en bestemt* node

- Strategien er et bredde-først-søk
 - Vi bruker en heuristikk-funksjon $h(v)$ for stadig å velge mest lovende vei. Det er denne som hjelper oss å «se» lengre enn et lokalt nabolag.
 - Altså bredde-først-søk med en prioriteskø for valg av neste fra *LiveNodes*.
- Minner derved mye om Dijkstras korteste vei-algoritme. (Dijkstra er faktisk et spesialtilfelle av A*-søk.)



Krav til $h(x)$ (*monotonitet*)

- Krav (monotonitet):
 1. Heuristikk-funksjonen $h(x)$ er mindre-eller-lik lengden av faktisk korteste vei fra x til nærmeste mål-node
 2. Om det er kant fra x til y med vekt $w(x,y)$, så skal gjelde: $h(x) \leq h(y) + w(x,y)$
 3. Alle mål-noder m har $h(m) = 0$, og ellers må vi ha $h(m) \geq 0$.
- Om $h(x)$ alltid er 0, så er disse krav oppfylt. Da får vi Dijkstras algoritme.
- Det fine er at krav 2 og 3 medfører krav 1, så vi slipper å tenke på krav 1.
- Bevis: Vi antar at $x \rightarrow y \rightarrow z \rightarrow \text{mål-node}$ er korteste vei fra x til nærmeste mål-node:



Kombinerer vi disse får vi: $h(x) \leq w(x,y) + w(y,z) + w(z, m)$

Altså: $h(x) \leq$ korteste vei til nærmeste målnode.

Om A-søk og varianter av A*-søk

- Om du har en heuristikk $h(v)$ for hvor langt det er til en mål-node
 - Og $h(v)$ kan være både litt for stor og litt for liten
 - Da kalles dette A-søk (veldig likt prioritert bredde-først-søk)
- Om vi vet at $h(x)$ aldri vil være større enn den virkelig korteste vei til målet
 - Men *ikke* tilfredstiller det *fulle* monotoniteskrav
 - Og vi bruker en Dijkstra-liknende algoritme, med passelig bruk av $h(x)$
 - Da vil vi alltid til slutt få riktig resultat (korteste vei fra start til nærmeste mål)
 - Men vi må stadig gå tilbake til noder ”vi trodde vi var ferdig med”
 - og oppdatere lengden, og dermed få mye ekstra-arbeid!
- Her er boka dessverre ikke helt god her (se trykkfeil-listen).
 - Vi tar derfor ikke dette med som pensum

Data for selve A* algoritmen (side 725/726)

- Vi har en rettet graf G med kantvekter $w(x,y)$, en startnode og et antall mål-noder, samt en monoton heuristikk-funksjon $h(x)$.
- Hver node x har i tillegg følgende variable:
 - $g(x)$ = foreløpig korteste vei fra startnoden. Denne vil stadig forandre seg under algoritmen, men vil til slutt få lengden av korteste vei fra startnoden til x .
 - $parent(x)$ som skal bli foreldre-peker i et tre av korteste veier fra start-noden
 - $f(x)$ som hele tiden er lik $g(x)+h(x)$, altså et estimat av veilengden fra start til et mål gjennom x .
- Vi har en prioritets-kø PQ av noder, der prioriteten går på verdien av $f(x)$
 - Denne initialiseres med bare start-noden s , med $g(s)=0$, og $h(s)$ vilkårlig. (Dette mangler i selve prosedyre-beskrivelsen i boka, side 725)
- De nodene som for øyeblikket ikke er i PQ deles i to typer
 - Tre-noder: Disse har en foreldre-peker i et tre med startnoden som rot (korteste vei til roten-treet). Disse har alle vært i PQ, og ved starten er det ingen slike tre-noder.
 - Usette noder (de vi ikke har kommet borti så langt)

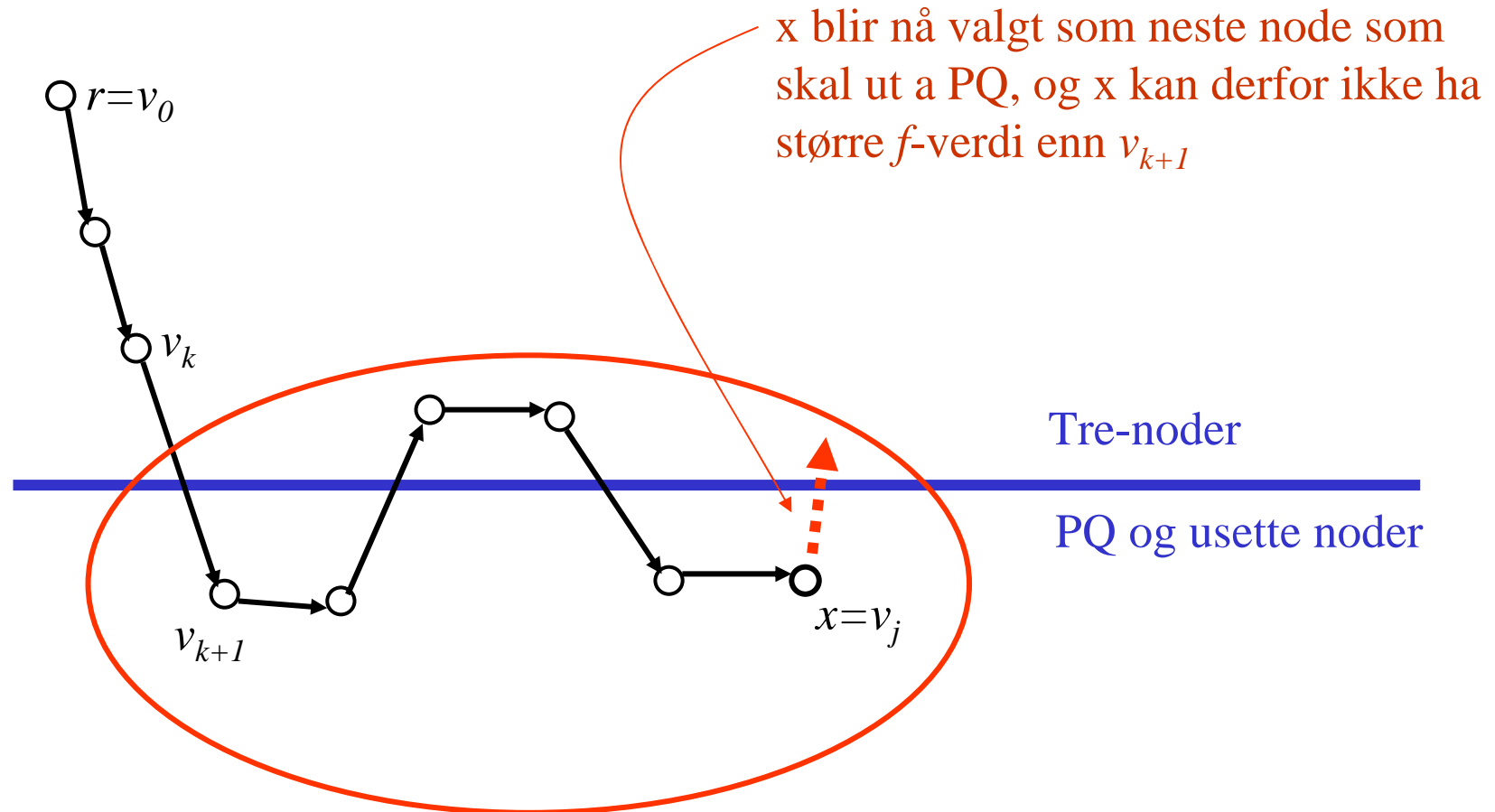
Selve A*-algoritmen

- PQ initialiseres altså med bare start-noden, med $g(s) = 0$ (alle andre er usette)
- Steget, som gjentas inntil PQ er tom :
 - Plukk den best prioriterte noden x ut fra PQ (med minst f -verdi)
 - Dersom x er en mål-node, slutter herved algoritmen
 - $g(x)$ angir da lengden av korteste vei fra startnoden
 - $x, \text{parent}(x), \text{parent}(\text{parent}(x)), \dots$ er den aktuelle veien (baklengs).
 - Ta ny minste ut av PQ, kall den x , og sett den inn i T (tre-nodene vi er ferdige med)
Den har allede nå sin foreldre-peker og $g(x)$ satt riktig, **bevis kommer**
 - Se på alle naboer til x **utenom de i T** (de ferdigbehandlede), og for hver slik y :
Dersom $g(y) > g(x) + w(x,y)$ så sett $g(y) = g(x) + w(x,y)$ og $\text{parent}(y) = x$
 - At det går bra krever et bevis som kommer på de neste foilene.
- Algoritmen kan altså slutte på to måter:
 - Ved at PQ blir tom. Det betyr at det ikke går noen vei fra startnoden til noen mål-node
 - Ved at vi kommer til en mål-node m , og da er $g(m)$ lengden av korteste vei fra startnoden til m og $\text{parent}(m)$ angir selve veien.
- Om $h(x) = 0$ for alle noder, så blir dette altså Dijkstras korteste-vei-algoritme

Vi må vise (proposition 23.3.2 i boka):

- Om $h(x)$ er monoton, så vil verdiene av $g(x)$ og $parent(x)$ alltid ha blitt riktige i det øyeblikk x tas ut av PQ over i treet T . Vi fører bare beviset for $g(x)$
- Dermed behøver vi aldri gå tilbake i treet og oppdatere noe.
- Og algoritmen blir av samme orden som Dijkstra-algoritmen
- Bevis på neste foil. **Merk: Det er en viktig trykkfeil på side 724, formel 23.3.7:**
 - Der det står: ... $h(v) + h(v)$... skal det stå ... $h(v) \leq g(v) + h(v)$...

Figur til beviset for at noder har fått riktig g -verdi når de taes ut av PQ



Bevis: Jeg mener vi må bruke induksjon (ikke i boka): Induksjonshypotese:
 Setningen gjelder for alle y som er flyttet fra PQ til treet før x . Vi viser at da gjelder den også for x .

- Vi lar generelt $g^*(v)$ være lengden av korteste vei fra start-noden til noden v .
- Vi ser på situasjonen når x taes ut av PQ, og vi ser på en nodesekvens P :

$$\text{start-noden} = v_0, v_1, v_2, \dots, v_j = x$$
 som er en korteste vei fra start-noden til x (altså med lengde $g^*(x)$)
- Vi antar at v_0, v_1, \dots, v_k (men ikke v_{k+1}) er blitt tre-noder når x taes ut av PQ.
- Noden v_{k+1} er altså i PQ når x blir tatt ut av køen (og derfor gjelder $f(v_{k+1}) \geq f(x)$)
- Ut fra monotoniteten vet vi (for alle $i = 0, 1, \dots, j-1$, altså helt fram til x)

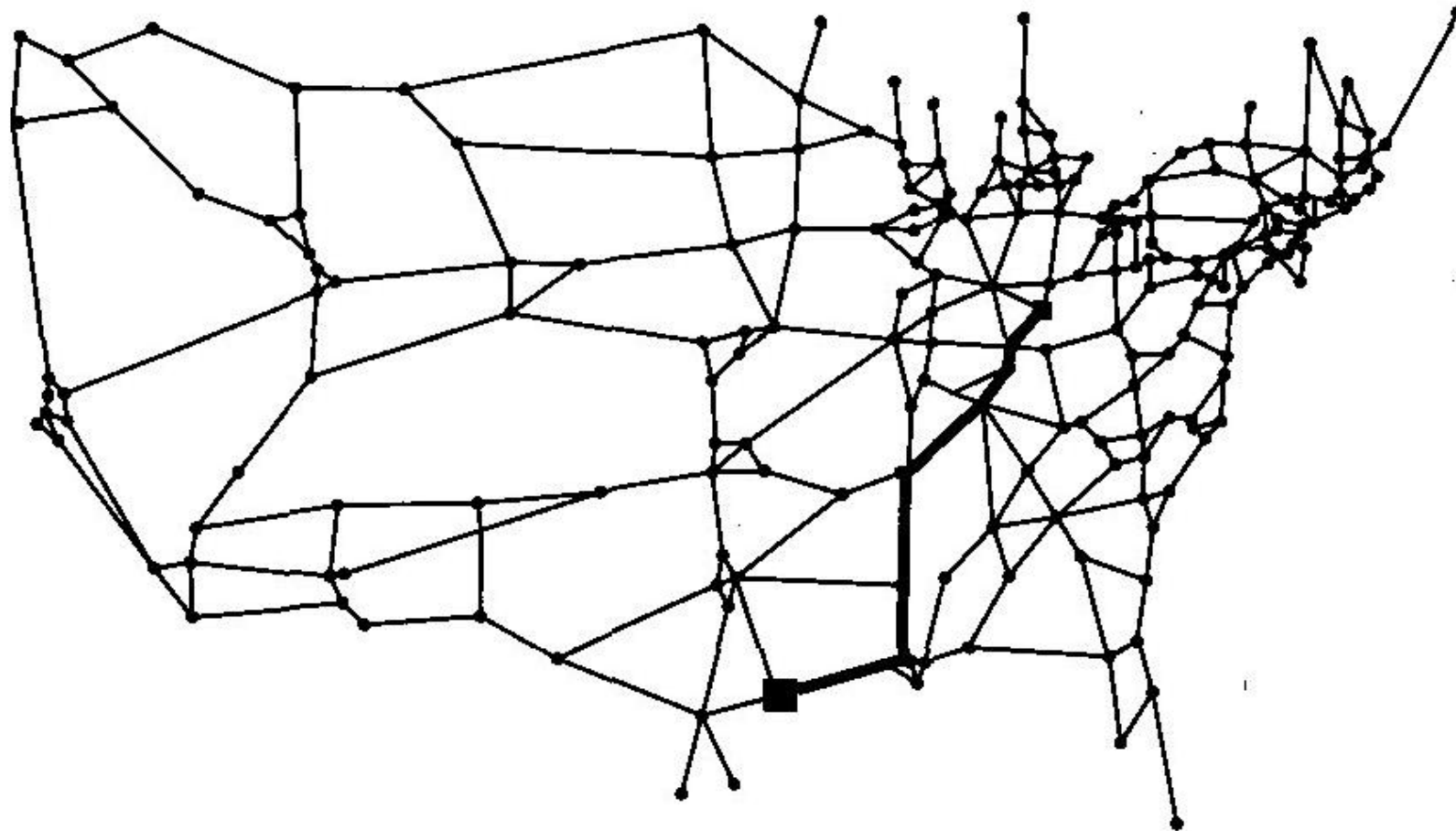
$$g^*(v_i) + h(v_i) \leq g^*(v_i) + h(v_{i+1}) + w(v_i, v_{i+1})$$
- Siden kanten fra v_i til v_{i+1} er med i en korteste vei til v_{i+1} , gjelder ($i = 0, 1, \dots, j-1$)

$$g^*(v_{i+1}) = g^*(v_i) + w(v_i, v_{i+1})$$
- Til sammen gir de to siste: $g^*(v_i) + h(v_i) \leq g^*(v_{i+1}) + h(v_{i+1})$
- som så gir, ved å la i etter tur være $k+1, k+2, \dots, j-1$, og vi setter sammen ulikhetene:

$$g^*(v_{k+1}) + h(v_{k+1}) \leq g^*(v_j) + h(v_j) = g^*(x) + h(x)$$
- Ut fra induksjonshypotesen vet vi at $g(v_k) = g^*(v_k)$, og dermed må også (ut fra aksjonen når v_k ble tatt ut av PQ) $g(v_{k+1}) = g^*(v_{k+1})$, selv om den ikke ligger i T
- Derved har vi:

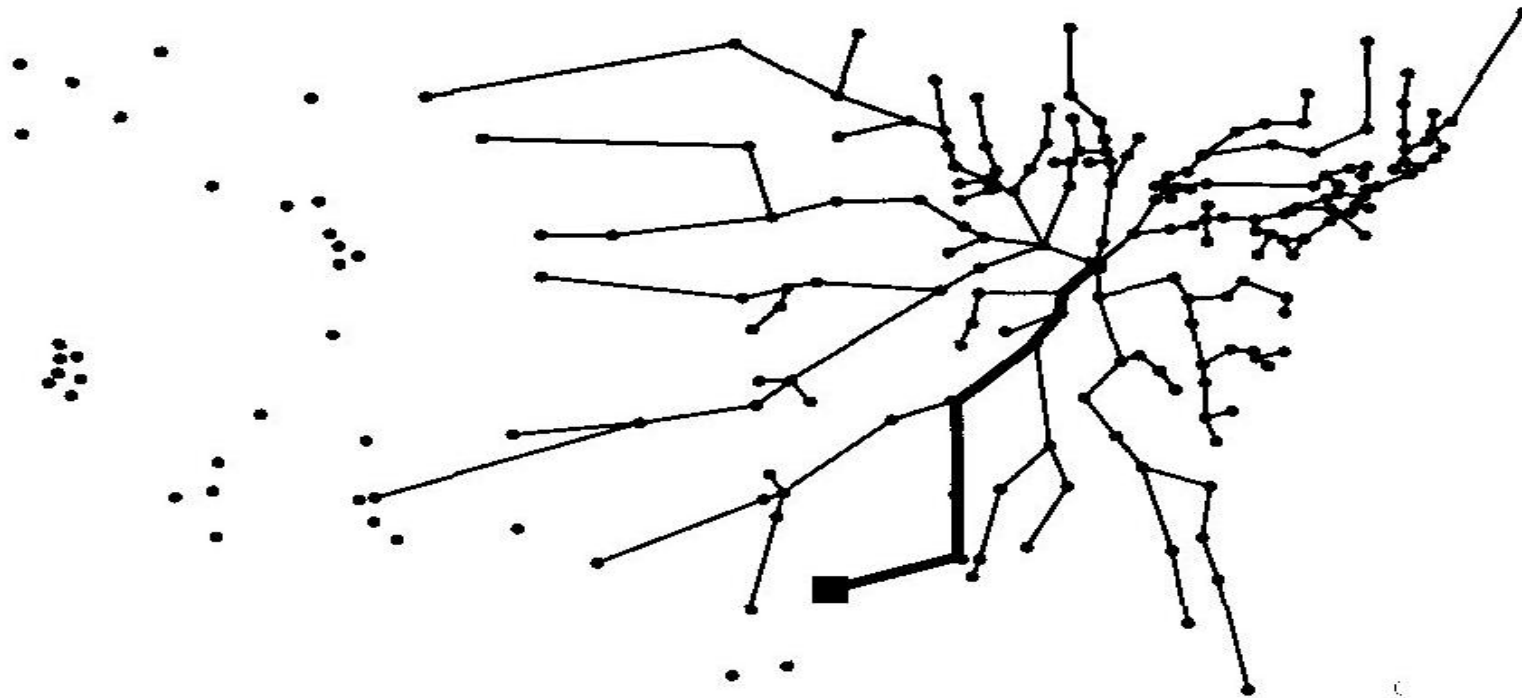
$$f(v_{k+1}) = g(v_{k+1}) + h(v_{k+1}) = g^*(v_{k+1}) + h(v_{k+1}) \leq g^*(x) + h(x) \leq g(x) + h(x) = f(x)$$
- Her må imidlertid alle \leq være likheter, ellers ville $f(v_{k+1}) < f(x)$, og da ville ikke x blitt tatt ut av køen før v_{k+1} . Derved er $g^*(x) + h(x) = g(x) + h(x)$ og altså $g^*(x) = g(x)$.

Eksempel på A*-søk



Amerikanske highways, korteste vei Cincinatti - Houston uthevet.

Treet generert av Dijkstras algoritme
(stopper i Houston).



Tree generert av A*-søk.

